



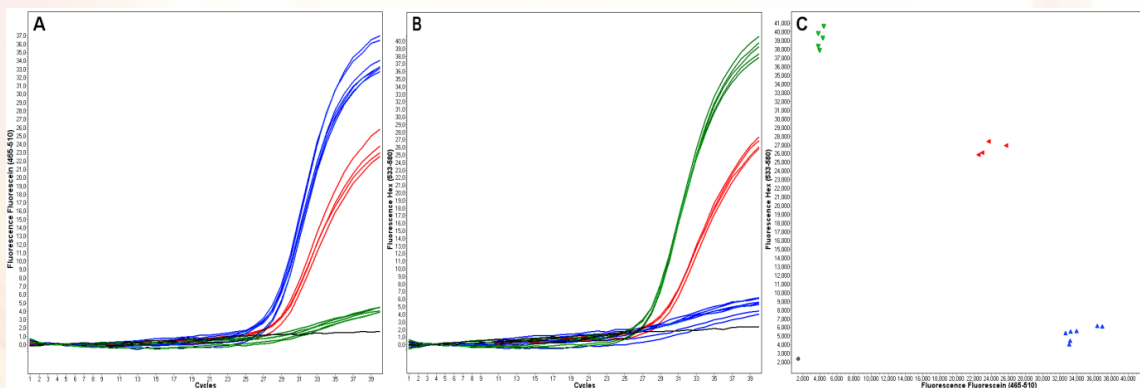
WARUM TaqMan[™]?



- gleiches PCR-Protokoll für alle Parameter
- einfache Genotypisierung mit Hilfe von Streudiagrammen
- geringer Arbeits- und Zeitaufwand
- breite Gerätekompatibilität
- kompatibel zum DNA-Extraktionsverfahren „Attosorb 96“

TESTPRINZIP UND AUSWERTUNG

- Ausgangsmaterial: DNA aus Patientenblut
- Hybridisierung der genotypisch-spezifischen Sonde auf dem Wildtyp- oder mutierten Allel während der PCR und anschließender Abbau durch 5'- Nukleaseaktivität der Polymerase
- Nachweis der freiwerdenden Fluoreszenzfarbstoffe
- Auswertung über Streudiagramm oder unterstützend durch Amplifikationskurven



Genotypisierung der Patientenproben durch Bewertung der Amplifikationskurven für das Wildtypallel (Abb. A) und für das mutierte Allel (Abb. B) oder durch Gruppenbildung im Streudiagramm (Abb. C):

- Homozygot Wildtyp (blau)
- Heterozygot (rot)
- Homozygot mutiert (grün)

PRODUKTE

Thrombophilie

- Faktor II Prothrombin (20210G>A)
- Faktor V Leiden (1691G>A)
- MTHFR (Hyperhomocysteinämie 677C>T, 1298A>C)
- PAI-1 (4G/5G)

Stoffwechsel

- Hämochromatose (C282Y, H63D)
- Laktoseintoleranz (-13910C>T)

Immungenetik

- HLA-B*27
- Titan-Periimplantitis (IL-1A -889C>T, IL-1B +3954 C>T, IL-1RN +2018T>C)